

Replacement Sheet

Nucleotide Sequence of Enod2a Genomic Clone

GGATCCTTACACAGGCCAGACATCCCCAAGTTCTCA 36
BamHI
AATAAGACAAATTGTTGTTCTTTTCTTAATATTTACAGGGAGATGTTCTGTCTTTTG 96
ATTTGGGGATTTCATTTAGCACATAACAAACAGTTAACAAAATTTGCCCCACCAAAAAG 156
ATGTTGCACTAGAACTCAACATAGTAGCTACAATAATTCTGTAAAAGTTCTGTCTTTTC 216
TTTCAGCTTTACCGTTCATTTCAGGTGAATATGGAGCAGTTGTTTCATGTATGATTCCAT 276
GCAAATTATAAACTCATTAAACAACTGGAATCATACTCTGTGCCTCTATCACTTCGAA 336
GTTTCTTAATTTTCTTATTGAATTGATTTTCAATTTCTGTTACAAATAACTTAAACATGT 396
CAAGCGCTTCACTTTTATTTTTCATAAGATATACATATATATATAATCAGAGCAGTCATC 456
AATAAAAGTGATAAAATATCGTTTTCCATTCTGGTCAACGTTCCATCAAATTCACATAT 516
ATCAGAATGTATTAAATCCAATGGCTCAGATTCTTTAACTACTGATTTTGTGATTTTTT 576
AGTTATTTTAGATTGACTGCAAAAACACACTTTTCAAAGTGATTGAAGATAGCTTTGG 636
AATAAACCTAAGTTACTCATATTAGATATGCAACGACTATTTATATGACAAAGTCTAGA 696
ATGCCAGAATTAAAATCACACAGCATGTAAGCAGAAGGAGAACTTTATTAATATCAAGA 756
TTCAATTTGAACATGCCATCAGTGGCGTACCCTTTCCCTACAAATACCCCATTCCTTGGTC 816
AAAGTAAATAAATCTGCACCTATGGTCTGAGTAAACCCAGCCTTGTTTAAAAGAAAACCA 876
GAAACCAGATTCTTTCTCATCTCTGGAGTATGCATCACATCTTTGAGAATCAAAGTCTTT 936
CCAGAGGTAAACTTCAGTTCAACATCTCCAGTTCTAGCAACAGTAGTGGTGTGGGAATCA 996

FIG. 2A

Replacement Sheet

Nucleotide Sequence of Enod2b Genomic Clone

AAGCTTGCACAAAAGATAAATGCTTTGTGGGGTGGCGTAGCGTCTTTATGCAGCAATGGTT 60
Hind3
TATGTAATTTATGTAATGGGGTGGTCACTCCTAGTACTGTCTCTGTGTTATGATTAAT 120
GAAATGTTTTGCTTTTTTCGAAAAGAACAATAATCCTTAAGTTCACCCCATTTGTAAATA 180
GTCTCTTACATTGAATTGGGGTTGAATTATTAAAGAAGAAATCTCAACTACTTATTTATT 240
TTAAATTTCAATCATTATTAGTTTAATTTTATAAATCACTTTTCTAAATATTAAAATA 300
TAATAAACTCTTCTAAAAACATAATAAAATTAATAACTAAATAAATAAATTATTTTTT 360
ATTGGTATTTATTTTTGTTTTTTTTTTTTCTAAATTCATATTCTTTTACTTATGTTTTAA 420
TAGACAAAAAAGTATTTGTAAACNNNNNNCATGTATAGAAACTATTCCTTTAACCTATA 480
AAAACTATCATTAAATATTTTTTAAGATAATTATTATAAAATCAACAACTTATTAA 540
TAATATATGATTCAATAATAATATATAAATCTTTGCATCTAACATAAATTATAATAATA 600
TTACAATTTTTTCCCTTTAAATCAATTTTACATTTTAAAAAATCAAATTAAATTCATATCC 660
GACTATTGCTGCGCATGATAGGCTCTAAAAGACCATCCCATTACATATTAATATCTTAT 720
TCAACGTTAATCTGTGTTCTGTTAGATTCCAAAGATTCCAGTGAATAGTGATGGCTAAGA 780
ACAGTTTCTTGACCTTTTCGCTAACAAAGCAAGCCTACCTATACAAGCTCCAATTATTTTCT 840
TTTTTGAGGATTGCTCCATTTATTNNCCGACAAACATACATGCATCTAAATGTGGCAGC 900
ATGCTAAAGTTTTGGTGAGGCTATAGTAAATATGAAATAAAGATTTGAAGTTTCAGCCC 960
AATATAAAAAAAATTAATTCCTTCTGAAATGAAAAGAGTATCAAAGAAGATATAATCA 1020

FIG. 3A